

IPIG

Approche combinée
in silico-in vitro au service
de la préservation de la diversité
des populations porcines
face aux maladies infectieuses

Objectif

**Préserver la diversité génétique
« fonctionnelle » des populations
en élevage**



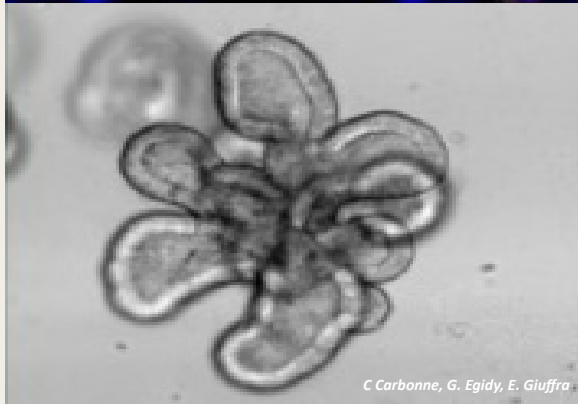
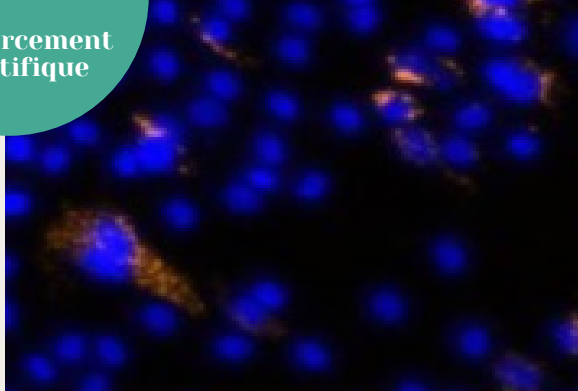
Porc



Début : juin 2026
Fin : mai 2029



SANTE



Contexte

La consanguinité et la perte de diversité génétique sont connues pour réduire la résistance potentielle des populations aux maladies, en limitant leur capacité à s'adapter aux agents pathogènes récurrents et émergents. Le projet I-PIG vise à renforcer la résistance des porcs aux maladies infectieuses en préservant la diversité génétique de loci immunitaires clés. Il combine analyses in silico et in vitro pour identifier et valider les variants clés de la réponse immunitaire, étudie l'impact sur la réponse aux coronavirus, et proposera des schémas de sélection conciliant productivité et maintien de la diversité.

Partenaires



Suivre l'avancement
du projet

Perspectives

Cette preuve de concept scientifique et méthodologique, servira de base pour développer des collaborations avec les entreprises de sélection pour optimiser performance et diversité génétique, anticiper la résilience sanitaire des lignées et accroître la fiabilité des programme de sélection.

A moyen terme, cela permettra aux entreprises de développer des services personnalisés pour les éleveurs, tels que des analyses génomiques adaptées aux populations commerciales, la modélisation de scénarios de sélection avec un potentiel d'extension à d'autres espèces et pathogènes.

Porteuse



Giorgia EGIDY MASKOS
Chargée de Recherche -
UMR GABI INRAE
—
Giorgia.egidy-maskos@inrae.fr